

バイオインフォマティクス トレーニング キャンペーン

データ解析未経験の研究者が
8週間で学ぶバイオインフォマティクス
RNA-seq解析・シングルセルRNA-seq解析・空間的遺伝子発現解析



キャンペーン期間：2025年11月1日（土）～2026年2月28日（土）

NGS解析領域	空間的遺伝子発現解析
	シングルセルRNA-seq解析
	RNA-seq解析
プログラミング領域	R
ITインフラ領域	Linux

体系的に学べる



実践的なコマンド実習



プロに質問できる

コース	内容	キャンペーン価格（税抜）
RNA-seq解析	- Linux、R、RNA-seq解析（動画視聴＋サーバ実習） - ハンズオン質問会（科目毎1回）	20万円 18万円 /名
シングルセルRNA-seq解析	- Linux、R、シングルセルRNA-seq解析（動画視聴＋サーバ実習） - ハンズオン質問会（科目毎1回）	24万円 21.6万円 /名
空間的遺伝子発現解析	- Linux、R、空間的遺伝子発現解析（動画視聴＋サーバ実習） - ハンズオン質問会（科目毎1回）	30万円 27万円 /名

【こんな課題を解決しました！】

シーケンス解析が専門外で、学習方法が分からず研究に着手できない…



実践講座で
スキル習得！



データ処理の全手順を学び、すぐに自身の研究サンプルで解析を開始！Webツールだけでは分からなかった深い知見を得られ、今後の研究展開への道筋が見えました。

お問い合わせ先

アメリエフ株式会社

〒105-8433

東京都港区西新橋3-7-1

ランディック第2新橋ビル2階

publicity@amelieff.jp



https://amelieff.jp/enquiry/form_training_25oct/

科目詳細

科目名	科目詳細	標準 学習時間	単科目価格 (税抜)
Linux	- Linuxの概要 - ディレクトリ構造、ファイルやディレクトリの作成・コピー・移動・削除、絶対パスと相対パス、アクセス権限、ファイル内容の加工 - ソフトウェアのダウンロード・インストール	300分 (動画48分)	6万円 5.4万円
R	- 起動・終了、基本的演算（四則計算など）、変数の取り扱い、オブジェクトの取り扱い、ベクトル・リスト・マトリクス・データフレームの取り扱い - 基本統計量の計算、作図 - パッケージのインストール・読み込み	300分 (動画74分)	6万円 5.4万円
RNA-seq 解析	- NGS基礎知識と主なファイル形式 - 公開データの取得方法 - RNA-seq解析：クオリティチェックとクオリティコントロール、マッピング、発現定量、正規化、発現変動遺伝子の検出、結果の可視化、発現定量と発現比較、GOエンリッチメント解析、パスウェイエンリッチメント解析	360分 (動画74分)	8万円 7.2万円
シングル セル RNA-seq 解析	- シングルセルRNA-seq解析基礎知識と解析の流れ - Seuratを用いた解析：データの読み込み、クオリティコントロール、正規化、フィルタリング、データのスケールリングとノイズの除去、次元削減、下流解析で使用する主成分軸数の決定、クラスタリングと結果の可視化、マーカー遺伝子探索、統合解析	420分 (動画60分)	12万円 10.8万円
空間的 遺伝子発現 解析	- 空間的遺伝子発現解析基礎知識と解析の流れ - Seuratを用いた解析：クオリティコントロール・正規化、次元削減・クラスタリング・細胞のプロット、マーカー遺伝子探索・発現量の視覚化、空間座標の抽出、データ統合、GOエンリッチメント解析	480分 (動画144分)	18万円 16.2万円

まずは無料動画からはじめる

「データ解析をこれからはじめよう」という方向けの動画サイト「バイオインフォマティクス実践ラボ」。アメリエフ主催イベントのオンデマンド動画を「いつでも」「どこでも」完全無料でご覧いただけます。



詳細はこちら→https://amelieff.jp/news/230331_online/