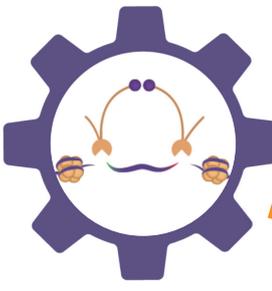
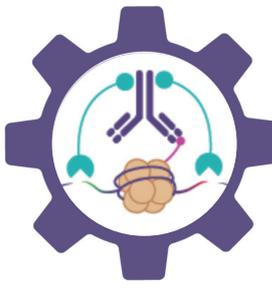


この機会に是非！

# アクティブ・モティフ受託解析サービス アカデミア価格 **Del** キャンペーン！



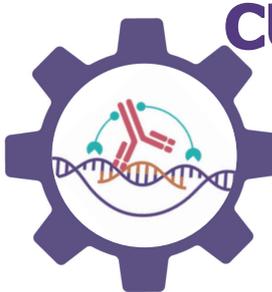
**ATAC-Seq**  
Max  
**20%OFF**



**CUT&Tag**  
Max  
**10%OFF**



**CUT&RUN**  
Max  
**15%OFF**



**CUT&Tag R-loop**  
Max  
**17%OFF**

さらに！

本解析前の事前検討が大幅値下げでお試しやすくなりました！

細胞や組織サンプルをアクティブ・モティフに送るだけ！

もちろん！いつものように**バイオインフォマティクス解析**も含まれます！

ATAC-Seq (オープンクロマチン領域の解析)

CUT&RUN (少量サンプルで転写因子解析)<sup>※1, 2)</sup>

CUT&Tag (少量サンプルでヒストン修飾解析)<sup>※1, 2)</sup>

CUT&Tag R-loop (DNA-RNA ハイブリット領域の解析)<sup>※1, 2)</sup>



Max  
抗体選定、サンプル検証  
大幅値下げ!  
**40%OFF**

**キャンペーン受付期限：2025年9月30日(火) ご依頼分まで<sup>※3)</sup>**  
(納期目安：4～6週間程度)

※1) ChIP-Seq 解析と比べて必要サンプル量が少ない解析法となります。

※2) CUT&RUN、CUT&Tag、CUT&Tag R-loop につきましては、4サンプル以上から承っております。

※3) 9月末日までの注文書受領分まで受け付けており、サンプル提出期限は10月末日までとなります。

お見積り、ご質問などは、お近くの販売店またはアクティブ・モティフまでご連絡ください。  
アクティブ・モティフ株式会社 [japantech@activemotif.com](mailto:japantech@activemotif.com)

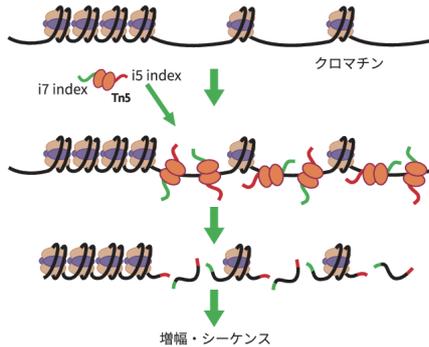
## アカデミア価格De!キャンペーンの概要

アクティブ・モティフでは、アカデミックプライスの試験的な運用を兼ね、アカデミア向けの受託解析サービスキャンペーンを実施いたします。対象となる受託解析サービスは、ATAC-Seq、CUT&RUN、CUT&TagおよびCUT&Tag R-loopの4つのサービスです。また、抗体の選定やサンプル量の検証など、本解析前の事前検討を最大40%OFFで実施いたします。今回の受託キャンペーンはこれまでにないチャレンジ価格となりますので、この機会に是非お試しください！

## キャンペーン対象の解析 (ATAC-Seq、CUT&RUN、CUT&Tag) について

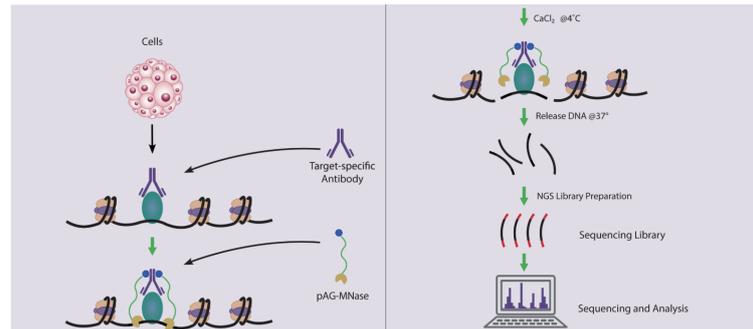
### ATAC-Seq ゲノムワイドなオープンクロマチン領域解析

ATAC-Seqは、シーケンス用アダプターを付加したTn5トランスポゼースを利用して、オープンクロマチン領域を決定する方法です。網羅的にゲノム上の活性化領域を解析することが可能です。



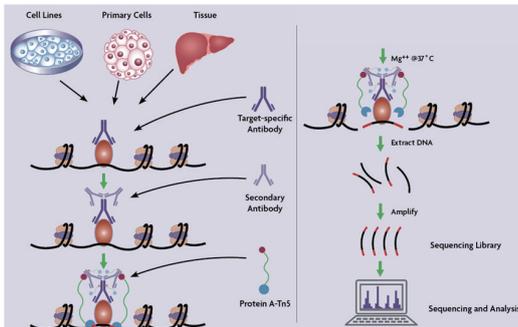
### CUT&RUN ChIP法より少量サンプルの転写因子解析

Cleavage Under Targets and Release using Nuclease (CUT&RUN)は、様々なクロマチン関連タンパク質とその修飾のゲノム全体にわたる分布を解析するための手法です。特に転写因子解析において、高感度かつ少量サンプルでの解析が可能です。



### CUT&Tag Tn5トランスポゼースを用いたヒストン修飾解析

Cleavage Under Targets and Tagmentation (CUT&Tag)は、ChIP-Seqと同様に抗体を使って標的タンパク質（修飾されたヒストンまたは転写因子）とDNAの結合領域を集める方法です。ChIP-Seqよりも迅速・簡単な手法であり、少量サンプルへの適用が可能です。



## 各解析に関するウェブページはこちら

ATAC-Seq Service



CUT&Tag Service



CUT&RUN Service



R-loop Service



アカデミア価格De!キャンペーンのウェブページはこちら！

<https://www.activemotif.com/promotions>

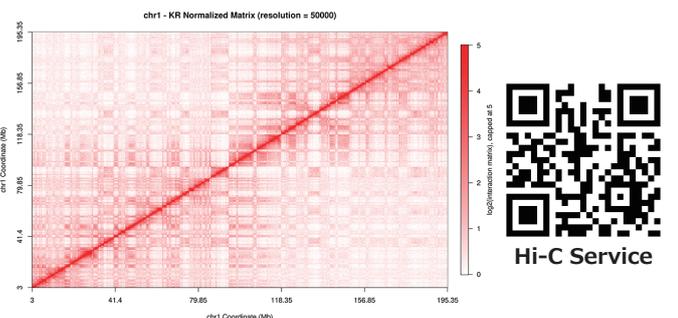
ご相談は随時承っております。テクニカルサポート (japantech@activemotif.com) までご連絡ください。

## Hi-C 同時開催中のその他受託解析キャンペーン

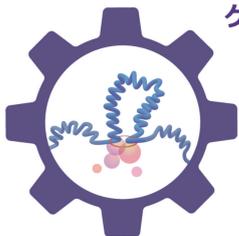
### ゲノムの3次元空間内の立体構造解析 (~ 9/30)

核内のDNAは、クロマチン複合体として効率よく折りたたまれた構造をとっています。この高度に制御された構造により、数千kb離れた距離の遺伝子領域が、共同して遺伝子発現を制御することが知られています。

Hi-Cは、ゲノム内の離れた遺伝子座間のすべての相互作用をマッピングし、ゲノム構造の3D構造解析データを提供します。



Hi-C Service



## アクティブ・モティフ株式会社

取扱店

〒162-0824 東京都新宿区揚場町 2-21  
Tel: 03-5225-3638 Fax: 03-5261-8733  
E-mail: japantech@activemotif.com  
www.activemotif.com