



空間的遺伝子発現解析 (Visium HD)

キャンペーン期間：2024年10月1日（火）～2025年1月31日（金） サンプル受領まで

論文作成には欠かせない

パスウェイ・GO解析、擬似系譜解析

まで込みのスペシャルプライス

2サンプル **340**万円（税抜）

※ 詳細は下記価格表をご参照ください
 ※ 他のプラットフォーム（Stereo-seq™
 CosMx™等）も対応可能です。

サービス内容

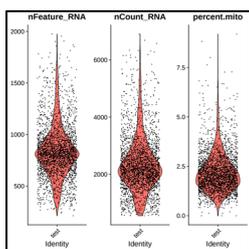
【WET】空間的遺伝子発現解析

- FFPEブロックからのスライド作製（提携病理会社へ依頼）、HE染色、切片からのRNA抽出・品質検定（DV200%測定）
- Visium HD（10x Genomics社）を用いたライブラリー作製
- NovaSeq（イルミナ社）次世代シーケンサーを用いたシーケンス

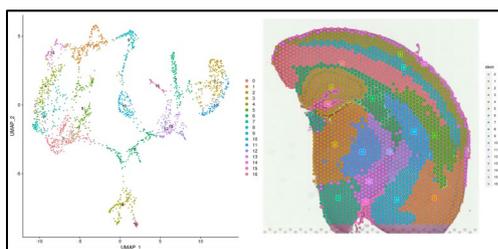
【DRY】データ解析

- 解析レポート、中間報告および最終報告（手法解説、結果解釈のディスカッション）
- 発現定量解析（クオリティコントロール、正規化、データ統合、次元削減、クラスタリングおよびUMAP上の可視化・空間座標上の可視化、クラスタごとの特徴遺伝子の探索、着目遺伝子の発現量可視化（Feature plot, Violin plot）
- サンプル間比較解析（各クラスタにおけるサンプル間発現比較解析、Gene Ontology解析、Reactome/パスウェイ解析）
- 擬似系譜解析（Cell trajectoryの推定、Pseudotimeの推定、着目遺伝子の発現パターン可視化）

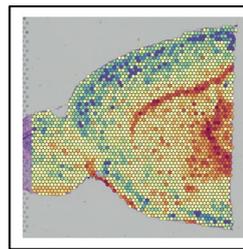
データ解析内容 ※イメージ画像



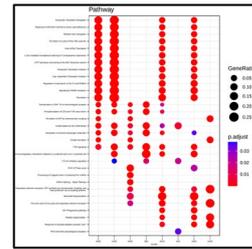
クオリティコントロール



クラスタリング



発現量可視化



パスウェイ解析

サンプル要件 / 注意事項

サンプルタイプ：FFPEブロックまたはFFPEスライド

- 解析領域：6.5 mm x 6.5 mm
- 解析検体数：2検体単位での受付
- 対応生物種：ヒト、マウス
- FFPEブロック/スライドは冷蔵にて保管・送付ください。
- FFPEスライドでご提供の場合は以下の点をご確認ください。
 - スライド作製前に必ず発送スケジュールをご相談ください。
 - スライド作製後は一定期間内に次のステップへ進める必要があります。
 - 10x Genomics社推奨のスライドグラスを使用し、スライドの指定領域内に切片を添付ください（切片厚は5 μm）。
 - RNAのDV200測定用に10 μm x 3枚の切片をご用意いただき、チューブに入れてご提供ください。

価格表（税抜）

| 製品名 | | 価格 |
|--|-------|-----------------------|
| 空間的 遺伝子発現 解析 (Visium HD) WET&DRY | 2サンプル | 340万円 (170万円/サンプル) |
| | 4サンプル | 620万円 (155万円/サンプル) |
| | 6サンプル | 870万円 (145万円/サンプル) |

※諸経費込みの総額費用

ご利用の流れ



- 研究目的、サンプル情報をヒアリングし、お見積りを作成します。
- ご発注後、サンプルを準備いただき、シーケンスを行います。
- 中間報告会にて、途中結果の報告および解析方針の確認、内容についてのディスカッションを行います。
- 最終報告会にて、結果の報告および内容について、ご報告します。

DRY
解析 空間的遺伝子発現解析 (Xenium)

キャンペーン期間：2024年10月1日（火）～ 2025年1月31日（金） データ受領まで

論文作成には欠かせない

パスウェイ・GO解析、擬似系譜解析

までをプロが支援

43万円/サンプル（税抜）

※ 1~3サンプルの場合
※ 他のプラットフォーム（Visium HD、Stereo-seq™、CosMx™等）もWETから対応可能です。

データ解析内容

発現定量解析

- クオリティコントロール
- 正規化、データ統合
- 次元削減
- クラスタリングおよび UMAP上の可視化・空間座標上の可視化
- クラスタごとの特徴遺伝子の探索
- 着目遺伝子の発現量可視化（Feature plot, Violin plot）

受入れデータ・納品物

受入れデータ形式

- 発現マトリクス
※ファイル形式を予めご教示ください
- 組織切片画像およびイメージ処理済みデータ
- 組織切片上の位置情報を含むデータ

納品物

- 解析結果の中間報告資料（PDF）
- 解析結果の最終レポート（PDF）
- データ解析結果（PDF、Excel）

サンプル間比較解析

- 各クラスタにおけるサンプル間発現比較解析
- Gene Ontology解析、Reactome パスウェイ解析

擬似系譜解析

- Cell trajectoryの推定
- Pseudotimeの推定
- 着目遺伝子の発現パターン可視化

価格表（税抜）

| 製品名 | | 単価 |
|-----------------|---------|-----------|
| Xenium データ解析 | 1~3サンプル | 43万円/サンプル |
| | 4サンプル以上 | 都度見積 |

※4サンプル以上はボリュームディスカウントが適用されますのでご相談ください。

※1サンプル=1切片という考え方になります。
1スライド上に多数の切片を乗せる場合があるため、ボリュームディスカウントは都度見積となります。

ご利用の流れ



- 研究目的、データ情報をヒアリングし、お見積りを作成します。
- ご発注後、発現マトリクスファイルを準備いただき、データ解析を行います。
- 中間報告会にて、途中結果の報告および解析方針の確認、内容についてのディスカッションを行います。
- 最終報告会にて、結果の報告および内容について、ご報告します。

お問い合わせ先

アメリエフ株式会社
〒105-8433
東京都港区西新橋3-7-1
ランディック第2新橋ビル2階
publicity@amelieff.jp

