



Twist ヒトエクソーム解析 乗換キャンペーン

他社製パネルをご利用の方、必見。お試し価格でご提供！



Twist ProLab 認証取得

安心・高品質のアゼンタ国内ラボで対応
ぜひこの機会にお試しください！

4-8サンプル^{#1}ならサンプルあたり

~~59,000円~~ → **50,150円**^{#2}

(税込 64,900円)

(税込 55,165円)

32サンプル以上ならサンプルあたり

~~39,000円~~ → **33,150円**^{#2}

(税込 42,900円)

(税込 36,465円)

さらに他社製パネルからの乗換なら 初回4サンプル分が**50%オフ**^{#3}

キャンペーンコード：TWESJP23

適用期間：2023年9月末のサンプル提出分まで

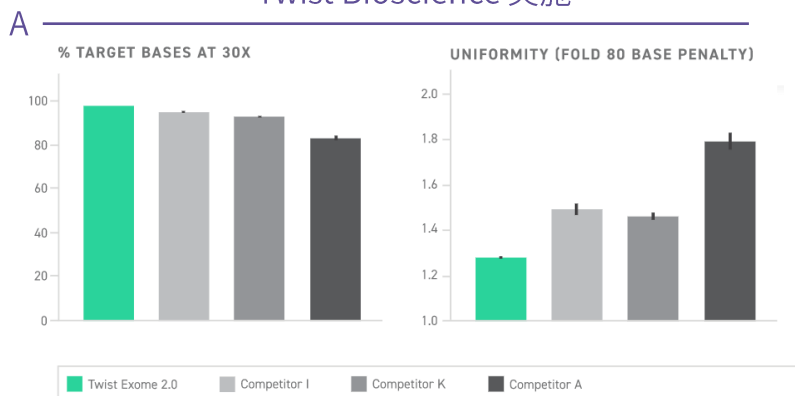
#1. 最低注文数：4サンプル。9サンプル以上で段階的に割引。

#2. サンプルあたりのデータ量 6Gbの場合。

#3. 弊社標準価格からの割引率で、アカウントあたり一回のみの適用。
オンライン見積依頼の際、特記事項欄に使用中のパネルを明記。

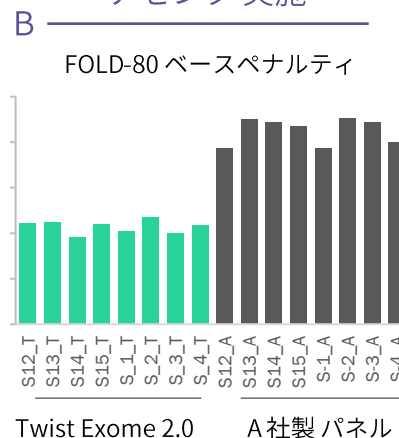
Twist パネルなら、少ないデータ量でより効率良くデータを取得

Twist Bioscience 実施



<https://www.twistbioscience.com/products/ngs/fixed-panels/exome2?tab=data> より引用改変

アゼンタ 実施



Twist Exome 2.0

A社製パネル

C

データ量 (塩基数)	6 Gb
重複率	1.7%
カバレッジ (中央値)	78.7
>20xカバレッジの塩基の割合	97.0%
>100xカバレッジの塩基の割合	24.0%

21057

20826

既知のSNVの
98.9%を同定



既知のSNV



検証実験で同定したSNV

A. 30x カバレッジに達した塩基の割合とFOLD-80 値の割合 (Twist Bioscience実施) B. FOLD-80 値の割合 (アゼンタ実施)

C. DNA試料NA12878を用いたアゼンタでの検証結果

FOLD-80とは：カバレッジの均一性を示す指標。値が低いほどカバレッジの均一性が高いことを示します。FOLD-80 値 1.4と 2.0を比較した場合、同じカバレッジに達するためには、前者では後者の70%のデータ量で済む計算になります。



ご相談・お見積り依頼



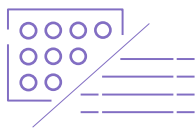
正式見積り依頼・発注は弊社アゼンタのオンラインシステムよりお願いします。技術内容のご相談は、Ph.D.レベルの専任スタッフがお伺いします。オンラインミーティングでプロジェクトのご相談も承ります。

DNA 抽出精製



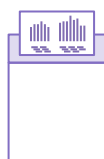
各種検体からのDNA抽出もご依頼可能です。これまでに凍結組織、全血、唾液、FFPEなどからのDNA抽出の実績があります。同一検体からDNA/RNAを抽出、WESに加え、RNA-Seqによる遺伝子発現解析にもご対応します。

ライブラリ調製



Twist Bioscience Exome 2.0によるエクソーム領域の濃縮を実施します。Exome 2.0では、RefSeq, CCDS, GenCode, Clinvar, ACMG73を含む各種データベースに登録された遺伝子の多くと臨床的に証明された疾患関連遺伝子を検出します。

シーケンシング



デフォルトではilluminaプラットフォーム（NovaSeq 6000）を使用、国内ラボでランを実施します。サンプルあたり、生殖系列変異同定では6 Gb、体細胞変異同定では12 Gbを標準にしています。正常組織と腫瘍組織でデータ量を変更することも可能です。

データ解析



データ解析なしの生データ納品、あるいはデータ解析をご希望の場合には、がん解析用パッケージ（体細胞変異同定）、その他疾患解析パッケージ（生殖系列変異同定）の他、トリオ解析などの追加解析もご用意しています。

アゼンタサービスの流れと仕様

サンプル提出ガイドライン – DNA抽出からご希望の場合はお問い合わせください

- サンプルの種類: ヒトゲノムDNA
- サンプルの純度 (OD260/280): 1.8-2.0
- DNA量、濃度および液量: >100 ng、>5 ng/μl、>15 μl
- 再懸濁溶液: 純水(DNase/RNase-free) あるいはlow TE (<0.1 mM EDTA)
- その他要件: 過度のRNAの混入がないこと。タンパク質・フェノール等の夾雑物の混入がないこと。

関連サービス



ヒト全血をご提出、PBMC調製からシングルセル解析の他、ゲノム解析・遺伝子発現解析・エクソームRNA解析、さらに血漿プロテオミクスを実施します。



サンガー法により多型・変異を検証します。PCRプライマーの設計・合成、対象領域の増幅からご対応します。



全ゲノム解析やEM-Seqによるシトシンメチル化解析をご提供します。



AAV-ITR 研究のための、対象配列の合成とサブクローニング、ITR領域を含めた配列検証をご提供します。

©2023 Azenta Life Sciences, Inc. 本サービスは研究用のみに使用できます。診断目的に使用することはできません。当印刷物に記載されている会社名および商品名などは、各社の商標または登録商標です。本印刷物記載の内容は2023年4月現在のものです。



アゼンタ株式会社（旧社名 日本ジーンウィズ株式会社）
〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号 NFパークビルディング 4F
電話：03-6628-2950 FAX：03-6628-2951 メール：sales.japan@azenta.com
ウェブ：https://www.genewiz.com/ja-JP

代理店・取扱店記入欄