

# 10x Genomics シングルセル受託解析

## 2023 夏の応援キャンペーン

2023年9月末までのご注文確定分 数量限定

レパトアもマルチオーム解析もキャンペーン。弊社通常価格より~20%オフ！

アプリケーション	単価	仕様
3' 遺伝子発現解析	777,000円 (税込854,700円)	<ul style="list-style-type: none"> <li>分散・懸濁済み細胞を提出</li> <li>ライブラリ調製</li> <li>レパトア解析はヒト・マウスのTCRあるいはBCR</li> <li>シーケンシング illumina NovaSeq ; 約3-3.5億PEリード</li> <li>データ解析 (Cell Ranger/パイプライン)</li> <li>細胞表面タンパク質同定にも対応可能 (別途料金)</li> </ul>
5' 遺伝子発現 + V(D)J レパトア解析	854,000円 (税込939,400円) TCR/BCR両方: +47,300円 (税込)	<ul style="list-style-type: none"> <li>凍結細胞あるいは凍結組織を提出</li> <li>ライブラリ調製からデータ解析まで</li> <li>シーケンシング (MGI tech DNBSEQ-G400 )</li> <li>ATAC: 3-3.5億PEリード 遺伝子発現: 3-3.5億PEリード</li> <li>データ解析 (Cell Ranger ARC/パイプライン)</li> </ul>
マルチオーム解析 (ATAC + 遺伝子発現)	1,232,000円/サンプル (税込1,355,200円/サンプル) 2サンプル単位での受け付け 核抽出条件検討費用別途	<ul style="list-style-type: none"> <li>凍結細胞あるいは凍結組織を提出</li> <li>ライブラリ調製からデータ解析まで</li> <li>シーケンシング (MGI tech DNBSEQ-G400 )</li> <li>ATAC: 3-3.5億PEリード 遺伝子発現: 3-3.5億PEリード</li> <li>データ解析 (Cell Ranger ARC/パイプライン)</li> </ul>

- 表示価格はキャンペーン適用時。キャンペーンは、2023年9月末までの注文確定分で、数量限定。
- 納期は約30営業日 (~1.5か月目安)
- シーケンスリード数は、ご希望の細胞数・細胞あたりのリード数に応じて変更可能 (別途料金)。
- 送料無料。納品費用別途 (ハードディスクあるいはダウンロード)。出張料金別途 (出張実施の場合のみ)。

キャンペーンコード  
10xSC23SUJP

必要に応じてどの工程からでも。凍結送付・持ち込み・出張実施対応します。

1

### 細胞分散・核抽出・PBMC調製

新鮮組織からの細胞分散、凍結組織からの核抽出、ヒト全血からのPBMC調製に対応。  
工程のより上流から実施するオプショナルサービス。

2

### シングルセルエマルジョン生成と逆転写

分散・懸濁済み細胞をご提出、あとはお任せの標準サービス。  
凍結困難な細胞では、お客様のラボに機材とアゼンタ技術員を派遣し実施。

3

### cDNA合成とライブラリ調製

10x Genomics の装置をお持ちのお客様対象。  
シングルセル化以降のルーティーン作業はアゼンタにお任せ。

4

### シーケンシング

調製済みライブラリをご提出。  
国内 illumina NovaSeq 使用、相乗りランも可能。

5

### データ解析

Cell Rangerによる標準解析。  
追加解析のご希望には協力会社をご案内。

### アゼンタを選ぶ5つの理由

- ✓ 事前の綿密なミーティングにより高い成功率。
- ✓ 国内ラボ初の受託、2018年からの豊富な実績。
- ✓ 組織からの細胞分散など工程のより上流からも対応。
- ✓ 全工程を安心の国内ラボで実施。
- ✓ 国内唯一の10x Genomics グローバルCRO認証に採択。



**NEW!****MAS-Seq (Multiplexed Arrays Sequencing) PacBio × 10X GENOMICS****PacBio ロングリードシークエンシングによるシングルセル mRNA 全長解析**

**キャンペーンコード**  
**MAS23SUJP**

**特長**

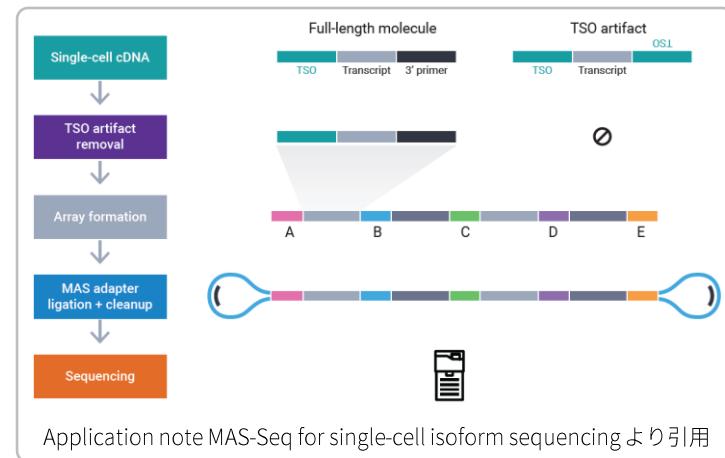
- 反応あたり最大10,000細胞を同時解析可能な10x Genomicsプラットフォームと組み合わせることで、ハイスルプットの優位性を最大限活用。
- MAS-Seqでは、断片をつなげてアレイ状にすることで、従来のシングルセルIso-Seqに比べ約16倍の出力を実現。
- ショートリードでは検出困難な、細胞集団特異的な、選択的スプライシング、RNA多型、融合遺伝子の同定が可能。

**サンプル提出ガイドライン**

- Chromium Next GEM Single Cell 3' Reagent Kits v3.1により調製した二本鎖全長cDNA（プロトコルCG000315 Rev Eのステップ2.4まで実施した産物）
- 濃度 $\geq$ 30ng/ $\mu$ l；液量 $\geq$ 10 $\mu$ l
- cDNAの断片の長さの範囲：500-1,000bp

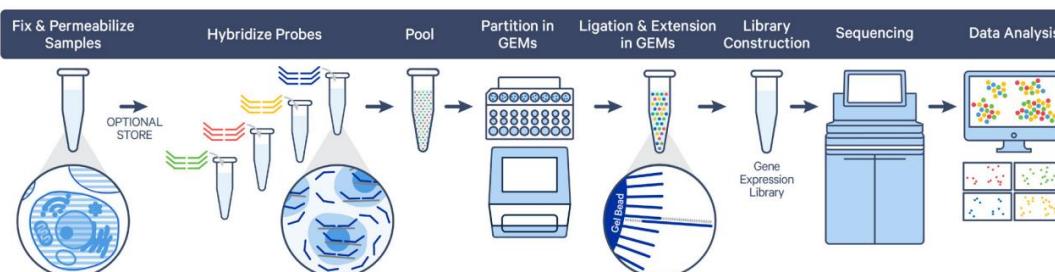
**解析仕様、キャンペーン価格、納品データ**

- MAS-Seq ライブライアリ調製** 税込110,000円
- シークエンシング** 税込544,500円  
Sequel II/Ile 1 SMRTcell 出力目安 2.5M HiFiリード
- データ解析** 税込176,000円  
HiFiリードデータ生成、細胞集団のクラスタリング、Cell Barcode/遺伝子・アイソフォームのマトリクス生成、選択的スプライシングおよび融合遺伝子同定



- キャンペーン期間は、2023年12月末日の注文確定分まで。
- 表示価格はサンプルあたりの料金。送料・納品費用別途。
- データ量はご希望に応じて変更可能。

**NEW!**  
**RNA FlexキットによるFixed RNA Profiling**  
まずはアゼンタ米国ラボよりご提供。国内ラボも近日サービス提供開始！



10x Genomics CG000528 Chromium Fixed RNA Profiling – Protocol Planner より引用

**特長**

- 組織を凍結後に固定・細胞分散が可能。臨床検体にもより柔軟に対応。
- 固定処理を行うことで、検体の長期保管が可能。輸送時もより安定。
- 不安定な細胞も固定処理により、検出効率が改善。
- プローブを用いたmRNA検出により、従来法より高感度。多少の分解RNAにも対応。
- マルチプレックスキットの使用により、反応あたり10,000細胞以上の解析も可能。

**FRP ワークフロー概要**

©2023 Azenta Life Sciences, Inc. 本サービスは研究用のみに使用できます。診断目的に使用することはできません。  
GENEWIZ (ジーンウィズ) は、マルチオミクス受託サービスを提供する、Azenta Life Sciences (アゼンタ株式会社) のブランドです。  
当印刷物に記載されている会社名および商品名などは、各社の商標または登録商標です。本印刷物記載の内容は2023年7月現在のものです。



アゼンタ株式会社 (旧社名 日本ジーンウィズ株式会社)  
〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号 NFパークビルディング 4F  
電話 : 03-6628-2950 FAX : 03-6628-2951 メール : sales.japan@azenta.com  
ウェブ : <https://www.genewiz.com/ja-JP>

代理店・取扱店記入欄