



複雑なジェノミックデータを臨床上の意思決定に使用する ための世界的な分析プラットフォーム

Congenicaは、全ゲノム、エクソーム、および大規模な遺伝子パネルデータの迅速な二次および三次分析を可能にする、確実で、しかも直感的に使用することができるソフトウェアプラットフォームです。Congenicaのソリューションは、臨床医が決定を下し、患者とその家族の生活を変えるための答えを見つけるのに役立ちます。Congenicaは、New York State Institute for Basic Research、Fudan Children's Hospital、Genomics England National 100,000 Genomes Projectをはじめ、世界中の臨床医や臨床科学者によって使用されています。また、Congenicaは、UK NHS Genomic Medicine Serviceの独占的な臨床意思決定支援プラットフォームプロバイダーでもあります。

“我々は、革新的で斬新な臨床遺伝学サービスのためにCongenicaを導入しました。これにより、患者に提供されるサービスが大幅に改善されました。”

Dr Sahar Mansour

Professor in Clinical Genetics, St George's Hospital NHS



診断の信頼性が高まります

ISOおよびHIPAA基準を満たす分析プラットフォームは、遺伝子変異を分析して、診断の意思決定の信頼性を高めます。



業務効率を最大化できます

インテリジェントオートメーションが業務スループットを最大化し、意思決定を迅速に行うため、30分以内にレビューから結果の出力まで可能にします。



診断率を向上させます

解決が困難な場合でも、一貫性のある有意な診断と改善が期待できます。Congenicaの平均診断率は43%です*。

* Based on a cohort of 25,000 random cases

迅速かつ効率的にゲノムデータ解析を提供します

拡張性と安全性



Congenicaは、大容量の処理能力を備えた高速で高品質のデータ解析能力を証明した分析プラットフォームです。

いつでもどこでも可能な分析



お好みのリファレンスゲノムとGRCH37/38を選択でき、データの保存と分析はオンプレミスまたはクラウド方式を選択できます。

効率的なパイプライン自動化



Congenicaは、バリエーションコール、アライメント、およびパイプラインの優先順位付けを自動的に実行し、迅速にデータをレポート化します。

CNV、SNV、インデルを一度に分析



CNV、SNV、およびインデルは、Congenicaの直感的でシームレスなワークフローを通じて一度に分析されるため、生産的で迅速な診断が可能になります。

- 自動化された統計分析ツールとAI機能を組み合わせて、患者のフェノタイプに関連するバリエーションを即座に識別して優先順位を付けます。
- 統合されたジェノミックブラウザと血統分析ツールにより、複数のデータソースをインタラクティブかつ簡単に分析し、複雑な家系全体の構造を探索および簡素化します。
- プリセットされたダイナミックフィルターセットにより、最も関連性の高いバリエーションを見つけ、臨床レビューと診断時間を短縮します。
- Congenicaは、複数のリファレンスデータソースを統合することにより、候補となるバリエーション数を減らします。
- 広範囲な知識ベースと文献情報に基づいて、分析事例と非常に関連性の高いデータを示します。
- クオリティスレッショルドを下回る遺伝子には、レビューのフラグが付けられます。
- クリニカルパスに必要な情報と、臨床的に実用可能な遺伝子結果を得るためのレポートを提供します。

www.congenica.com

問い合わせ: info@helixrus.com



Congenica is the product for research use only and cannot be used for the primary purpose of clinical diagnosis. Helixrus is the official agent of Congenica in Korea and Japan. Except as otherwise noted, all trademarks used herein are the property of Congenica and its subsidiaries. Copyright © 2021 Congenica Ltd.