

RNA-seq

まるっとキャンペーン

データ取得

+

ベーシック解析

+

DEG* 1パターン無料!

1 検体あたり 真核生物	50,000 円	(税抜) (150PE, 4Gb) 約2660万リード
1 検体あたり 原核生物	60,000 円	(税抜) (150PE, 1Gb) 約660万リード

*DEG：発現変動値とそのp値, q値を算出し、変動値のヒートマップと動的Volcano/MA plotを描画。詳細は裏面へ!

キャンペーン期間

2022年 6月1日～9月30日

【ご依頼時の注意点】

- ・2 検体から承ります。
- ・リファレンス情報が不足しているなど、解析対象の生物種によってはキャンペーン価格が適用できない場合がございます。

✓ 丁寧なビフォア / アフターサポート

15名以上のPh.Dが在籍。

事前の技術相談・実験デザイン相談を承ります。

✓ データ転送費などの付帯費用は全てコミ!

『シーケンス仕様』『データ解析』
の内容については、裏面またはQRコードにて!



裏面に詳細

データ取得仕様 (真核生物の場合)

利用シーケンサー：NovaSeq 6000
リード長：150 PE (150 bp×2 paired-end)
取得データ量：4G bases/1検体
取得リード数：約 2660 万リード /1 検体
ライブラリー調製方法：Poly-A 選択法、Strand specific

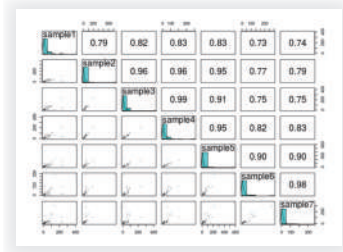
データ解析仕様 (キャンペーン期間中)

1. データ QC
2. リードクリーニング
3. マッピング
4. リードカウント
5. TPM 値の算出
6. サンプル間の相関分析
7. 主成分分析 (PCA)
8. 階層的クラスタリング
9. ヒートマップ描画
10. **DEG 解析 (1パターン無償)**

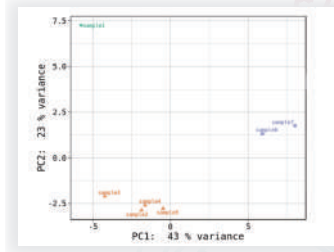
データ解析例

参考納期

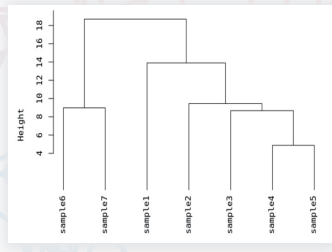
データ取得 + データ解析：検体受領日起算 6~9 週



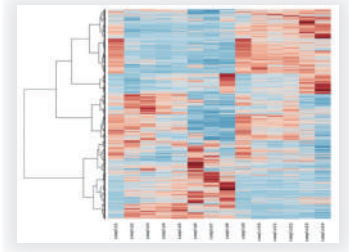
6. 相関分析



7. 主成分分析



8. 階層的クラスタリング



9. ヒートマップ描画

※ご要望に応じたデータ解析のカスタマイズも可能です。すでにお持ちのデータの解析のみも承っております。
※サービスプランの詳細は右記 Web サイトよりご確認ください ➡ <https://rhelixa.com/seq/rna-seq/>

DEG 解析 (2群1比較×1パターン無償)

弊社の Differentially Expressed Gene 解析 (=DEG 解析, 発現変動遺伝子解析) では、2 群間において有意に発現変動している遺伝子を抽出し、変動値とその p 値, q 値を算出します。また、得られた結果を用いてヒートマップ, 動的な MA plot, Volcano plot を描画し、遺伝子発現変動の全体像やその統計的な優位性を様々な角度から俯瞰的に掴むことができます。GO 解析や IPA 解析を実施する上で必須の解析となります。

サンプル推奨要件

標準仕様の場合、total RNA を 1 µg 以上を (濃度 50ng/µL) お送りください。クオリティの目安は、OD 260/280 > 2.0、OD 260/230 > 1.0 です。サンプル受領後、RIN 値を含めたクオリティチェックを実施いたします。基準を満たさない場合は、実施/キャンセルについてお客様にご判断頂きます。

サンプルフォーム

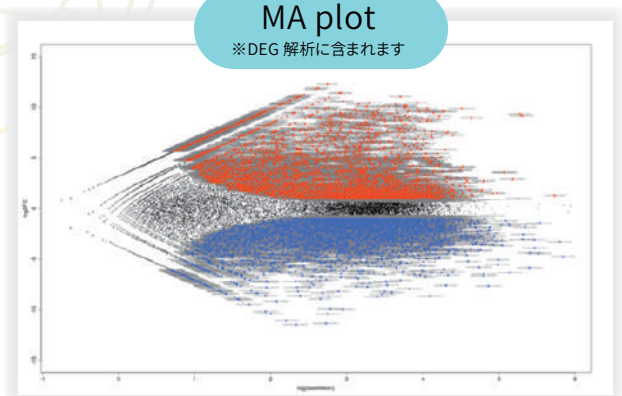
サンプル送付の際に、サンプル ID 等をフォームに記載の上ご返送ください。サンプルフォームは、ご依頼の際に弊社からお送りいたします。

サンプル送付先

〒101-0061 東京都千代田区 神田三崎町 2-2-14
BRICK GATE 水道橋 2 階
株式会社 Rhelixa 受託解析チーム宛て
※2022 年 8 月にラボ移転を予定しております。

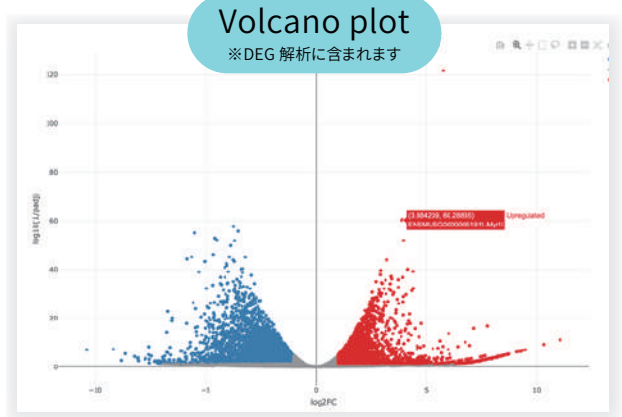
MA plot

※DEG 解析に含まれます



Volcano plot

※DEG 解析に含まれます



販売店

株式会社 Rhelixa (レリクサ)

TEL : 03-6272-3115

FAX : 03-6240-9331

E-mail : customer-service@rhelixa.com

Web : <https://rhelixa.com/>